

Figure 1

```

1
SEQ ID NO:2 ----- 60
SEQ ID NO:4 MGQ-CYKGASGRATADDEGGVVTEHQSPPPANGLPSTPPRQQAQAQAVGTTPRRRGSKS
SEQ ID NO:6 -----
SEQ ID NO:8 -----
SEQ ID NO:17 MGNTCVGPSITMNGFFQSVSTAL-WKTPEQGDALPAAANGPGGPAGA-----GSQS
SEQ ID NO:18 MGQ-CYKGARGASSRAD-----HDADPSGAG-SVAPPSPPLPANGAPLPATPRRH--KS
SEQ ID NO:19 MGI-CHGKPVQQSKS-----LPVSGETNEAPTNSQPPAK-----

61
SEQ ID NO:2 ----- 120
SEQ ID NO:4 GSTTPGHQ-----TPGVA-WSPYPSPGGASPLPAGVSPSPA-----RSTPRRFFKRPFPP
SEQ ID NO:6 -----NPSXLPSPWFKNSPSSNSNPSSXPLXIFKXFPFP
SEQ ID NO:8 -----
SEQ ID NO:17 ALPKPASDVHHVAVQSEAPEPVKIAAYHSEPAVRSEAPEPVKIAASHSE-----PA
SEQ ID NO:18 GSTTPVHH-HQAATPGAAAWSPYPAGGASPLPAGVSPSPA-----RSTPRRFFKRPFPP
SEQ ID NO:19 -----SSGFFFYSPSPVPSLFKSSPSVSSVSSTPLRIFKRPFPP

121
SEQ ID NO:2 ----- 180
SEQ ID NO:4 PSPAKHIKATLAKRLGGGKPKEGTIPEEGGVGAGGGGG-----GAADGAETERPLDKT
SEQ ID NO:6 PSPAKHIRALLARXHGSKVPNEASIFE-----ASXCEGLGDKS
SEQ ID NO:8 -----
SEQ ID NO:17 PMAAKP-----GGAANASPSPPRRPQVRRVSSAGLLGSGV
SEQ ID NO:18 PSPAKHIKATLAKRLGGGKPKEGTIPEEGGAGAGAGAGAGAAGVGAADSADREPLDKT
SEQ ID NO:19 PSPAKHIRAFLARRYGSVKPNEVSIPE-----GKECEIGLGDKS

181
SEQ ID NO:2 ----- 240
SEQ ID NO:4 LKRRTENLKDKYSLGRRLGQGQFGTTYLCOVERAT-----GKEFACKSILKX-LVTDDDDVE
SEQ ID NO:6 FGF-SKNFGAKYELGKEVGRGHFG--HTCSAVVKKGEYKQGTAVAVKIIAKAKMTTAAISIE
SEQ ID NO:8 FGF-AKQFSAHYELSDXGRGHFG--YTCSAKGKKGAFLGLNVAVKVIIPAKAMTTAAIAIE
SEQ ID NO:17 LRRKTENLKDKYSLGRRLGQGQFGTTHLCOVERAT-----GKELACKSILKRLGSDDDOVE
SEQ ID NO:18 FGF-AKNFGAKYDLGKEVGRGHFG--HTCSAVVKKGEHKGHTAVAVKIIISAKAMTTAAISIE
SEQ ID NO:19 FGF-SKQFASHYEIDGVEGRGHFG--YTCSAKGKKGLSKQGEVAVKVIIPKSKMTTAAIAIE

241
SEQ ID NO:2 ----- 300
SEQ ID NO:4 DVRRREIQIMHHLAGHPNVISIRGAYEDAVAV-----
SEQ ID NO:6 DVRRREVKILRALSGHNNLVKFYDAGEDGLNVYIVMELCEGGELLDRILARGGRYTEEDAK
SEQ ID NO:8 DVRRREVKILRALTGHNKLVQFYEAYEDD-----ELLDKILARGGKYTEEDAK
SEQ ID NO:17 DVRRREIQIMHHLAGHPNVVIRGAYEDAVAVHVLVLMELCGGELFDRIVRRG-HYTERKAA
SEQ ID NO:18 DVRRREVKILKALSGHNNLVRFYDAGEDALNVYIVMELCEGGELLDRILARGGRYTEEDAK
SEQ ID NO:19 DVSRREVKMLRALTGHNKLVQFYDAFEDDENVYIVMELCKGGELLDKILQRGGKYSIEDAK

301
SEQ ID NO:2 ----- 360
SEQ ID NO:4 AIVVQILSVVAFCHLQGVVHRDLKPFNLFTTRDENAPMKLIDFGLSDFIRPDERLNDIV
SEQ ID NO:6 -----
SEQ ID NO:8 VVMLQILSVVSFCHLQGVVHRDLKPFNLFSSKEENSPLKVIDFGLSDFVVKPDERLNDIV
SEQ ID NO:17 ELARVIYGVVEACHSMGMVHRDLKPFNLFADHSEEAALKTIDFGLSIFFRPGQIFTDVV
SEQ ID NO:18 ATIVQILSVVAFCHLQGVVHRDLKPFNLFTTRDESAPMKLIDFGLSDFIRPDERLNDIV
SEQ ID NO:19 KVMVQILSVVAYCHLQGVVHRDLKPFNLFSTKDETSPLKAIDFGLSDYVKPDERLNDIV

```

Figure 1 (cont'd.)

```

361                                     420
SEQ ID NO:2 -----
SEQ ID NO:4 GSAYYVAPEVLHRSYSMEADIWSIGVITYILLCGSRPFWARTESGIFRSVLRADPNFDDSDS
SEQ ID NO:6 -----
SEQ ID NO:8 GSAYYVAXEVLHRSYGTGDMKSIGVIAYILL-----
SEQ ID NO:17 GSPYYVAPEVLKKRYGPEADVWSAGVIYILLCGVPPFWAENEQGI FEEVLHGRLODFESE
SEQ ID NO:18 GSAYYVAPEVLHRSYSMEADIWSIGVITYILLCGSRPFWARTESGIFRSVLRADPNFDDSDS
SEQ ID NO:19 GSAYYVAPEVLHRTYGTEDMWSIGVIAYILLCGSRPFWARTESGIFRAVLKAEPNFEEA

421                                     480
SEQ ID NO:2 -----
SEQ ID NO:4 FWPTVSAAEAKDFVKRFLNKDYRKRMATAVQALHTHPWLR-DEQR-QIPLDILIFRLIKQYLR
SEQ ID NO:6 -----
SEQ ID NO:8 -----
SEQ ID NO:17 PWPSISDGA KDLVRRMLVRDPRKRLTAHEVLRHFWQVGGVAPDRPLDSAVLSRMKQFSA
SEQ ID NO:18 PWPSVSAAEAKDFVKRFLNKDYRKRMATAVQALHTHPWLR-DEQR-QIPLDILIFRLIKQYLR
SEQ ID NO:19 PWESLSPEAVDFVKRLNLNKDYRKRLTAAQALCHPWL-V-GSHELKIPSDMIYKLVKVYIM

481                                     540
SEQ ID NO:2 -----
SEQ ID NO:4 ATPLKRLALKALS KALREDELLYLKQFKLLEP-RDGFVSLDNFRTALTRYLTDMAKESR
SEQ ID NO:6 -----
SEQ ID NO:8 -----
SEQ ID NO:17 MNKLKKMALRVIAENLSEDEIAGLREMFKIMIDADNSQGITFEELKVGLEKVGAN-LQESE
SEQ ID NO:18 ATPLKRLALKALS KALSEDELLYLRLQFKLLEP-RDGFVSLDNFRTALTRYSTDAMRESR
SEQ ID NO:19 STSLRKSALAAKLTLPVQLAYLREQFTLLGPKNGYISMQNYKTAILKSSTDAMKDSR

541                                     600
SEQ ID NO:2 -----
SEQ ID NO:4 VLEFLHALEPLAYRRMDFEEFCAAAI SPQLEALERWEEIAGTAFQQFEQEGNRVISVEE
SEQ ID NO:6 -----
SEQ ID NO:8 -----
SEQ ID NO:17 IYALMQAADVDNNGTIDYGEFIAATL---HLNKVER-EDHLFAAFQYFDKDGSGYITADE
SEQ ID NO:18 VLEFQHALEPLAYRRMDFEEFCAAAI SPQLEALERWEEIAGTAFQHFEQEGNRVISVEE
SEQ ID NO:19 VDFDVHVMISCLQYKKLDFFEEFCASALSVYQLEAMETWEQHARRAYELFEKDGNRPIIMIE

601                                     660
SEQ ID NO:2 -----
SEQ ID NO:4 LA---QELNLAPTH--YSIVQDWIRKSDGKLNFLGFTKFLHGVTIRGSNTRR-----
SEQ ID NO:6 -----
SEQ ID NO:8 -----
SEQ ID NO:17 LQVACEEFLGQDVQ-LEDLIGEVQDNDGRIDYNEFVAMMQKPTVGGSRRRPICRTASAS
SEQ ID NO:18 LA---QELNLAPTH--YSIVQDWIRKSDGKLNFLGFTKFLHGVTIRGSNTRR-----
SEQ ID NO:19 LA---SELGLGPSVVFVHVLQDWIRKSDGKLSFLGFVLLHGVSSR--TLQK-----

661                                     690
SEQ ID NO:2 -----
SEQ ID NO:4 -----
SEQ ID NO:6 -----
SEQ ID NO:8 -----
SEQ ID NO:17 GSASGSGRRSGWPRPLCLWLPCCLRVGVDD
SEQ ID NO:18 -----
SEQ ID NO:19 -----

```

Figure 2

```

1
60
SEQ ID NO:10 M-----ASVGVARSSSLGFQN--GTSSSSDPDRLPNELGSMISIRDDKDVE
SEQ ID NO:12 M-----GSVXVAPSGLNNSXTSMGA---EKLFPDQMHDLKIRDDKEXE
SEQ ID NO:14 MVEEQQLKEKRDSAKMTSGVAVPTS--GLREASGHGAAGVDR--LPEEMNDMKIRDDREME
SEQ ID NO:16 M-----E-----HPAPAPEPMLLDEQPPTAVACE-----KKQQDGE
SEQ ID NO:21 M-----ASVGIAPNP--GARD-----STGVDK--LPEEMNDMKIRDDKEME
SEQ ID NO:22 M-----MASGGVAPAS--GFIDK--NASSVGVEK--LPEEMNDMKIRDDKEME
SEQ ID NO:23 M-----ASVGVAVPTS--GFREVLDGGEIGVDDI--LPEEMSDMKIRDDREME
SEQ ID NO:24 M-----ASLPLGFPQPHALAPPLQLHDGDALKRRPE-----LDSDEKEMS

21
120
SEQ ID NO:10 D-IVVNGNGAEPGHHIIVTSIDGRNGQAKQTISYMAERVVGHSGFGTVFQAKCLETGETVA
SEQ ID NO:12 XXTIINXXGTGXGHHIIVTTTGGXNGXPKXTVSYMAXRIVGGQSGFIVFQAKFWROGETVA
SEQ ID NO:14 A-TVVDGNGTETGHHIIVTTTIGGRNGQPKQTISYMAERVVGHSGFGVVFQAKCLETGETVA
SEQ ID NO:16 AP--YAEGNDAMTGHIIISTTIGGKNGEPKQTISYMAERVVGHSGFGVVFQAKCLETGEMVG
SEQ ID NO:21 A-TVVDGNGTETGHHIIVTTTIGGRNGQPKQTISYMAERVVGHSGFGVVFQAKCLETGETVA
SEQ ID NO:22 AATIVDNGTETGHHIIVTTTIGGKNGQPKQTISYMAERVVGHSGFGVVFQAKCLETGETVA
SEQ ID NO:23 A-TVVDGNGTETGHHIIVTTTIGGRNGQPKQTISYMAERVVGHSGFGVVFQAKCLETGETVA
SEQ ID NO:24 AA-VIEGNDAVTGHIIISTTIGGKNGEPKQTISYMAERVVGHSGFGVVFQAKCLETGESVA

121
180
SEQ ID NO:10 IKKVLQDKRYKNRELQTMRLDHPNVVALKHCFSTKEEELYLNVLVEYVPETAHRVIK
SEQ ID NO:12 IKKVL-----
SEQ ID NO:14 IKKVLQDKRYKNRELQTMRLDHPNVVALKHCFSTTEKDELYLNVLVEYVPETVNRVIR
SEQ ID NO:16 IKKVLQDRRYKNRELQLMRSIHNSNVSLKHCFSTTSRDELFLNVLMEYVPETLYRVIR
SEQ ID NO:21 IKKVLQDRRYKNRELQTMRLDHPNVVSLKHCFSTTEKDELYLNVLVEYVPETVHRVIR
SEQ ID NO:22 IKKVLQDKRYKNRELQTMRLDHPNVVSLKHCFSTTEKDELYLNVLVEYVPETVSRVIR
SEQ ID NO:23 IKKVLQDKRYKNRELQTMRLDHPNVVSLKHCFSTTEKDELYLNVLVEYVPETVHRVIR
SEQ ID NO:24 IKKVLQDRRYKNRELQLMRPMHNPVSLKHCFSTTSRDELFLNVLMEYVPETLYRVIR

181
240
SEQ ID NO:10 HYNKMNRMPLIYAKLYMYQICRALAYIHNSIGVCHRDIKPNLLVNPHTHQLKLCDFGS
SEQ ID NO:12 HYNKMNRMPLIYAKLYMYQICRALAYIHNSIGVCHRDIKPNLLVNPHTHQLKLCDFGS
SEQ ID NO:14 HYNKFNQRMPLIYVKLYTYQIFRALSYIHRCIGVCHRDIKPNLLVNPHTHQLKLCDFGS
SEQ ID NO:16 HYSNANGQMPLIYVKLYMYQLFRGLAYVHTVPVGVCHRDVQPNVLDPLTHQVKICDFGS
SEQ ID NO:21 HYNKLNQRMPLIYVKLYTYQIFRALSYIHRCIGVCHRDIKPNLLVNPHTHQLKLCDFGS
SEQ ID NO:22 HYNKMNRMPMIYVKLYSYQICRALAYIHNSIGVCHRDIKPNLLVNPHTHQLKLCDFGS
SEQ ID NO:23 HYSKLNQRMPMIYVKLYTYQIFRALSYIHRCIGVCHRDIKPNLLVNPHTHQLKLCDFGS
SEQ ID NO:24 HYTSSNRMPMIYVKLYTYQIFRGLAYIHTVPVGVCHRDVQPNVLDPLTHQVKLCDFGS

241
300
SEQ ID NO:10 AKVLVKGEPNISYICSRYYRAPELIFGATEYTTAIDVGSAGCVLAELLGQPLFPGESGV
SEQ ID NO:12 AKVLVKGEPNISYICSRYYRAPELIFGATEYTTAIDVGSAGCVLAELLGQPLFPGESGV
SEQ ID NO:14 AKVLVKGEPNISYICSRYYRAPELIFGATEYTTAIDVGSAGCVLAELLGQPLFPGESGV
SEQ ID NO:16 AKVLVPGEPNIAIYICSRYYRAPELIFGATEYTTAIDVGSAGCVLAELLGQPLFPGETAV
SEQ ID NO:21 AKVLVKGEPNISYICSRYYRAPELIFGATEYTTAIDVGSAGCVLAELLGQPLFPGESGV
SEQ ID NO:22 AKVLVKGEPNISYICSRYYRAPELIFGATEYTTAIDVGSAGCVLAELLGQPLFPGESGV
SEQ ID NO:23 AKVLVKGEPNISYICSRYYRAPELIFGATEYTTAIDVGSAGCVLAELLGQPLFPGERGV
SEQ ID NO:24 AKVLVKGEPNISYICSRYYRAPELIFGATEYTTAIDVGSAGCVLAELLGQPLFPGENSV

```

Figure 2 (cont'd.)

301 360
 SEQ ID NO:10 DQLVEIIKVLGTPTREEIKCMNPNYTEFKFPQIKAHPPWHKIFHKRMPAEAVDLVSRLQY
 SEQ ID NO:12 -----
 SEQ ID NO:14 DQLVEIIKVLGTPTREEIKCMNPNYTEFKFPQIKAHPPWHKIFHKRMPAEAVDLVSRLQY
 SEQ ID NO:16 DQLVEIIKVLGTPTREEIRCMNPNYTEFRFPQIKAHPPWHKIFHKRMPAEIDLASRLQY
 SEQ ID NO:21 DQLVHIIKVLGTPTREEIKCMNPNYTEFKFPQIKAHPPWHKIFHKRMPAEAVDLVSRLQY
 SEQ ID NO:22 DQLVEIIKVLGTPTREEIKCMNPNYTEFKFPQIKAHPPWHKIFHKRMPAEAVDLVSRLQY
 SEQ ID NO:23 DQLVEIIKVLGTPTREEIKCMNPNYTEFKFPQIKAHPPWHKIFHKRMPAEAVDLVSRLQY
 SEQ ID NO:24 DQLVEIIKVLGTPTREEIRCMNPNYTDFRFPQIKAHPPWHKVFHKRMPPEAIDLASRLQY

361 420
 SEQ ID NO:10 SPKLRSTALEALVHPF-FDEL RDPNTRL PNGRFLPPLFNFKPHELKNVPADFMVKLVPEH
 SEQ ID NO:12 -----
 SEQ ID NO:14 SPNLRCTVLDALDAPFPLDEF RDPNRL PNGPIKPTTINSNP-----
 SEQ ID NO:16 SPNLRCTALDACAHSF-FDELREP NARLPNGRPFPLFNFKP-ELANASPELINRLVPEH
 SEQ ID NO:21 SPNLSAALDTLVHPF-FDEL RDPNARLPNGRFLPPLFAHFHKPHELKGVPLEMVAKLVP
 SEQ ID NO:22 SPNLRSTALEALVHPF-YDDVRDPNTRL PNGRFLPPLFNFKNELKGVPAEMLVKLVPPH
 SEQ ID NO:23 SPNLRCAALDCLTHPF-FDEL RDPNARLPNGRFLPPLFNFKPHELKGVFVETLMKLVPEH
 SEQ ID NO:24 SPSLRCTALEACAHFP-FNELREP NARLPNGRFLPPLFNFKQ-ELGGASMEINRLIPEH

421 434
 SEQ ID NO:10 ARKQCAF---VGW-
 SEQ ID NO:12 -----
 SEQ ID NO:14 -----
 SEQ ID NO:16 VRRQNGPNFAHAGS
 SEQ ID NO:21 ARKQCPW---LGL-
 SEQ ID NO:22 ARKQCAL---FGSS
 SEQ ID NO:23 ARKQCPF---LGL-
 SEQ ID NO:24 VRRQMSTGLQN--S